

創薬機構化合物ライブラリ―

コピー提供可能なマスタープレート

大分類	プレートカテゴリ	サンプル数	申請書様式番号	Full Library提供順
Validated Library	既存薬	1,721	12	1*
	既知薬理活性物質	2,188		2*
General Library	Core	9,600		3*
	Advanced_Core	22,400		4*
	General_S (大学化合物)	3,644		5
	General_A (構造多様性)	79,864		6
Focused Library	GPCR	9,062		7
	Ion_Channel	3,727		8
	Kinase	6,620		9
	Nucleoside	480		10
	タンパク質間相互作用 (PPI)	10,500		11
	Protease	473		12
General Library	General_B (Core類縁体)	41,388		13**
	General_C (構造不確認 [※])	21,362		14**
Deposited Library	企業 (小野、第一三共、田辺三菱)	63,046	42~44	
	AMED_PPI_中分子**	74,764	45	

[※] 公表には構造決定が必要

複数のカテゴリに分類され、重複して提供するサンプルがごく一部あります。

在庫量が少なく、プレート化していないサンプルなどがあり、円グラフの数字とは必ずしも一致しません。

*1~4は順序変更/除外可

**13~14は除外可

^{*** 9000/6000/41280/14015/4469}サンプル区分

化合物ライブラリーの構成(2024年3月)

Validated Library

既存薬(医薬品登録歴)と既知薬理活性試薬

Core Library

ライブラリー全体から選択した構造多様な代表9600 化合物 ヒット確認用に数個ずつの類似化合物を準備 脂溶性高めの細胞内標的用Core2400個を含む

Advanced Core Library

Core Libraryの次にお勧めしているライブラリー全体から選択した構造多様な22400個

Fragment/Scaffold Library

部分構造候補となる分子量250/350以下の小分子

Focused Library

kinase、GPCR、protease、ion channel、タンパク質間相互作用に対して高ヒット率が期待される化合物セットやnucleoside類縁化合物セット

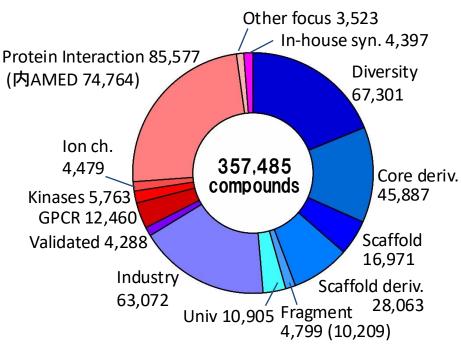
企業化合物 Library

企業との共同研究の早道 構造式の開示制限有

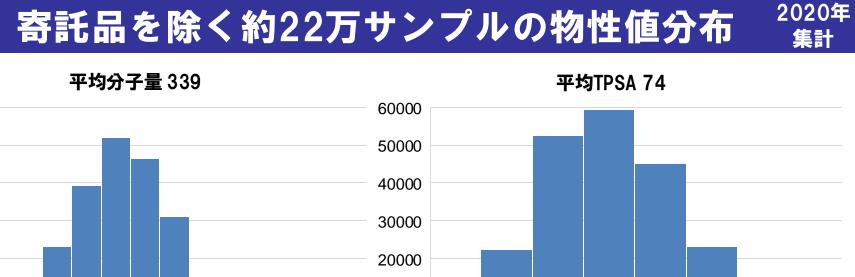
AMED PPI 中分子 Library

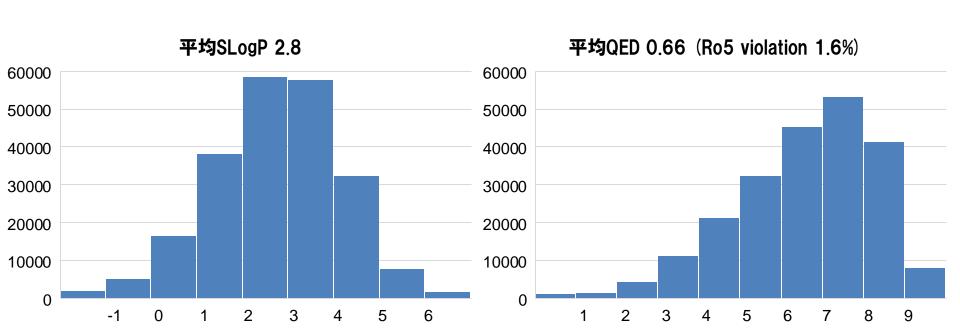
タンパク質間相互作用阻害剤候補 提供量制限有

タンパク質との親和性が期待できる化合物を 市販化合物データベースより忌避構造を除き ながら選択後、構造多様性を確保するために 化合物の記述子による分類を行い、各代表化 合物を収集。大学研究室所蔵のユニークな構 造の化合物や市販の天然化合物、天然化合物 誘導体、既存薬等も精力的に収集。 企業やAMED預託の化合物も取扱い。

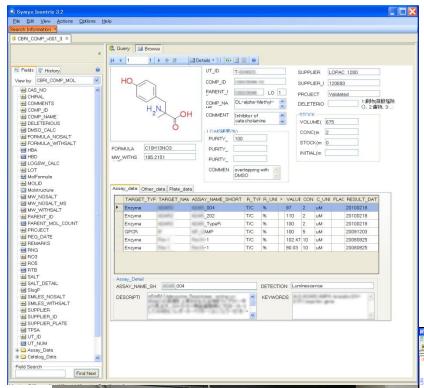


※複数の分類にまたがる化合物はいずれかに分類 Fragmentは実際10,209個保有





化合物データベースと化合物検定



化合物情報の一元管理

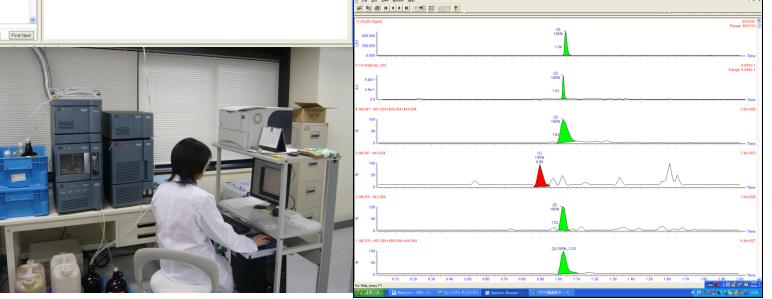
化合物に関する種々の情報をオラクルに格納し、データベース化。

LC-MSによる化合物の同定

全ての化合物をLC-MSで分析し、その データをデータベース化。

UV及びELSによる純度測定

LC-MSでは6種の検出モードで解析を 行っている。

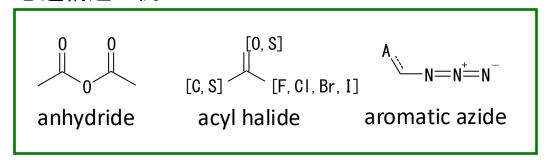


多様性志向の化合物選択

将来の未定標的分子に備えるため、 化合物の多様性を確保した

生物活性が期待される化合物空間 忌避構造によるフィルタリング 物性値、部分構造によるクラスタリング 代表化合物の選択

忌避構造の例



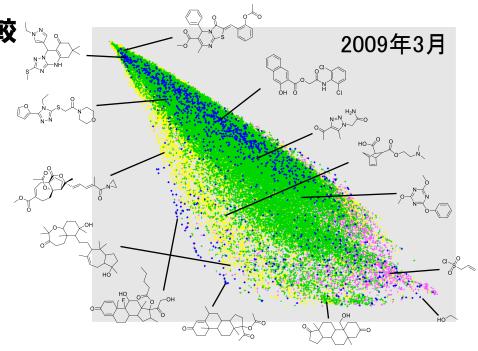
市販~500万化合物 ドラッグライクネスフィルタリ ングとクラスタリングによる 化合物の絞込み 市販数万化合物 専門家の目視による 選択

収集化合物の多様性評価

ケミカルスペース(化合物空間)比較

10⁶⁰個とも言われる バーチャルな低分子化合物の 理論的な組合わせ数

化合物の性状を示す記述子を 座標にしてプロット



•: DrugStore (薬物)

•:東京大学

- : StARLITe (生物活性)

ͱ : ChemACX (試薬)

骨格数比較(2009)

骨格数 骨格数の割合) データベース (/ 化合物数 (/ 142,731 UTokyo200871,330 = 50.0%DrugStore™ 721 1,225 = 58.9%) StARLITeTM * 109,745 (/ 391,200 = 28.1%*現ChEMBL

ChemACXTM 57,967 (/333,789 = 17.4%)

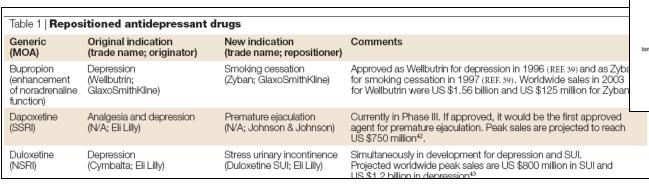
Supplier 744,508 (/4,231,876 = 17.6%)

骨格数計算: Xu, J. Med. Chem., 2002, 45, 5311

Validated Compound Library

既知活性化合物とoff patent医薬品からなるライブラリーで、アッセイ系の検証や既知活性物質のrepositioning (repurposing)に利用

- LOPAC 1280 (Sigma-Aldrich)
- Prestwick Chemical Library (Prestwick Chemical)



Cell Signaling
Other 9%

Adenosine 4%

Adrenergic 8%

Histamine 2%

Cholinergic 6%

Cholinergic 6%

Cholinergic 6%

GABAergic 3%

Galutamatergic 7%

Opioid 2%

Serotonergic 6%

Apoptosis/Cell Cycle 2%

Other 10%

LOPAC 1280

Core Library

標的あるいは類縁のタンパク質立体構造や既知リガンド情報があれば、インシリコ技術によりFocused Library作成が可能であるが、それが不可能な場合にはランダムスクリーニングとなる。しかし、通常アカデミアでは人手、費用、方法の面からスクリーニング可能サンプル数が制限される。そこで、数百~数千の単位で提供できる1万種以内の厳選代表化合物グループであるCore Libraryを作成した。



CBRI Core Library

選択方法:

- ・現有の化合物に対し、忌避構造条件や物性条件をよりDruglikeに設定し、厳選
- ・活性報告のある化合物に類似の化合物(活性フォーカス)と全くのランダム選択 化合物の双方を構造多様性を考慮しつつ混在

特長:

- ・80化合物のセットの倍数となっているので、提供数の調整が行える
- ・予めマスタープレート化しているので、迅速に提供できる
- ・Core化合物それぞれに類似化合物を予め用意し、ヒット時に迅速な検証・展開を可能とする
- アッセイデータが特定化合物に集中して収集される
- ・アッセイデータ検証で、化合物を随時置き換え、Core Libraryを進化させる

Advanced Core Library

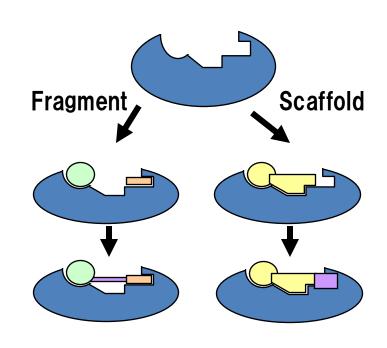
Core、Validated以外のFull Libraryサンプルから下記条件を満たすサンプルを選択し、化合物構造でclustering後、HGP創英角ゴシックUB代表化合物22400サンプルを選定

LCMS純度 >80% サンプル在庫量 >1 mgまたは >300 μL Rule of 5を満たす 分子量 200~500 SlogP -3~5 TPSA < 130 LogSw > -5PAINS substructure 含まず Frequent hit サンプルではない

Fragment Library & Scaffold Library

- ・ 制御化合物のパーツ(部分構造)を収集
- ・ タンパク質の立体構造を基に、パーツの組み合わせ、展開により制御化合物を創製

	Fragment	Scaffold
分子量	~250	250~350
結合検出方法	物理化学的 測定(X線、 NMR、SPR)	生化学的 測定も可能
評価濃度	100∼1000 μM	数10~ 200 µM



Focused Library

インシリコアプローチによる制御化合物創製技術

目標: ターゲットタンパク質の立体構造に基づくインシリコスクリーニング法又は高精度のリガンドスクリーニング法により、ヒット率を高めて制御化合物の探索を実施する。

ターゲットの立体構造情報がある場合

市販100万~300万化合物

ドラッグライクネスフィルタリングと クラスタリングによる化合物の絞込み

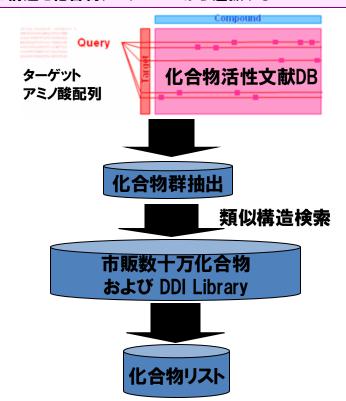
> 市販数十万化合物 および DDI Library

バーチャルスクリーニング ドッキングスコアと相互作用の条 件と専門家の目視による選択

化合物リスト

ターゲットの立体構造情報がない場合

ターゲットとそのホモログの既知阻害化合物に類似し た構造を化合物データベースから選抜する



企業寄託化合物

プレスリリース 2014年7月9日



アカデミア創薬の開発初期からの「産」と「学」の連携

小野薬品工業株式会社の寄託化合物ライブラリーサンプル提供開始について

平成 26 年 7 月 9 日

東京大学創薬オープンイノベーションセンター

このたび東京大学創薬オープンイノベーションセンターは、小野薬品工業株式会社より 独自の化合物サンプルの提供を受け、それらの化合物サンプルを、同センターが管理する 21 万超の大型化合物ライブラリーに、産業界への橋渡しがよりスムーズなスクリー ニング用化合物群として新たに加えることになりました。アカデミアにおける創薬研究 のスタート時点から「産」と「学」が連携することになります。これにより、アカデミ デ研究者が使用可能な良質な化合物サンプルの種類が増え、実用的な創薬研究に結びつく可能性が一段と高まります。

東京大学創薬オープンイノベーションセンターは、ここ数年にわたり化合物ライブラリーを管理・運営し、創薬スクリーニング(新薬の候補となる化合物を選び出すこと)を希望する全国の研究者(主としてアカデミア研究者)に化合物を提供し、これまでアカデミアでは行うことができなかった大規模スクリーニングによる活性化合物の探索を支援してきました。

今国会で「健康・医療戦略推進法」及び「独立行政法人日本医療研究開発機構法」が成

立し、これにより創薬を含む健康・医療に係る産業を戦闘本の重要課題であるとの大方針が国の内外に示されまし 基礎研究において世界的に優れた成果が出ているにもか しも実用化に結びついていないという課題が以前からか レインペーションによる創薬シーズの創出が、この課題克 て期待されています。このたび創薬研究の基盤となる化 の異なる高密度の産学官の連携が行われることになりま

これらの委託化合物ライブラリーの利用を希望する研究 提供を開始する予定ですので、当センターまでお問い合



2014年7月9日

各位

小野薬品工業株式会社

東京大学への化合物ライブラリー提供について

小野薬品工業株式会社(本社:大阪市中央区、社長:相良 曉、以下「当社」)は、国立大学法人東京大学(本部:東京都文京区、総長:濱田 純一、以下「東京大学」)との間で、同大の創薬オープンイノベーションセンターに当社独自の化合物ライブラリーの提供についての契約を締結いたしましたのでお知らせいたします。

東京大学では、ここ数年にわたって、創薬オープンイノベーションセンターが管理する 21 万超の大型化合物ライブラリーから、全国の研究者(主としてアカデミア研究者) にサンプルを提供し、これまでアカデミアでは行うことができなかった大規模スクリー ニングによる活性化合物の探索を支援してきました。

この創薬オープンイノベーションセンターの化合物ライブラリーに、当社独自の化合物

、日本国内の大学又は公的研究機関の研究者が実用的 「する化合物サンプルを使用することが可能となりま 童学が連携したオープンイノベーションを採用するこ 速され、将来の医薬品候補化合物の開発・事業化につ

の利用を希望する研究者の皆さまには、準備ができ次 センターより提供を開始される予定です。

以上

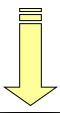
<本件に関する問い合わせ先> 小野薬品工業株式会社 広報室 TEL:06-6263-5670 FAX:06-6263-2950



General Libraryの構築

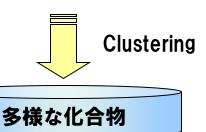


≈ 700万化合物

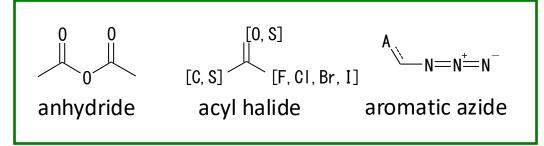


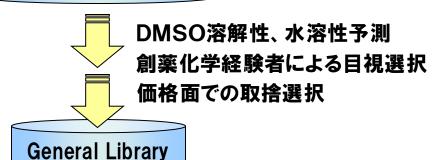
構造ユニーク ≈ 400万化合物 忌避構造含有化合物の削除 Druglikeness Filtering

構造ユニークで性質の良い化合物DB



忌避構造の例



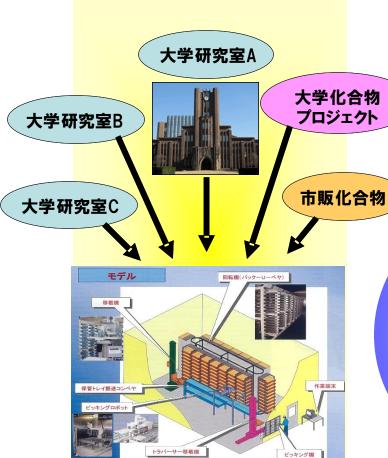


化合物ライブラリーの構築

質の高い化合物ライブラリーとは

- ・目的に応じたヒット化合物が見つかりやすい
- ・多数の標的に対応できる化学構造多様性
- ・構造最適化しやすい
- ・化合物の純度の確保/明確化
- ・公知情報やアツセイデータとの紐付き
- ・汎用されるサブセットを含有

機構概念図



化合物ライブラリー

・化合物ストレージ(保管)システム

·化合物(購入/外注)

<mark>・分析機器(化合物構造確認・純度検定)</mark>

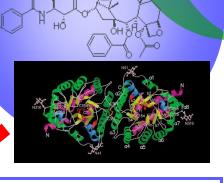
・化合物管理システム

・フォーカスとライブラリー構築技術

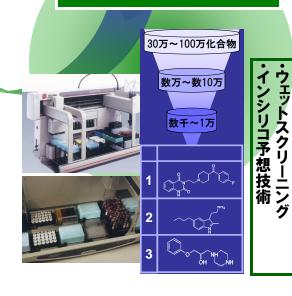
1. 化合物ライブラリー の構築

3. 最適化技術 の構築





- ・フラグメント化合物
- ·最適化有機合成技術



知財